

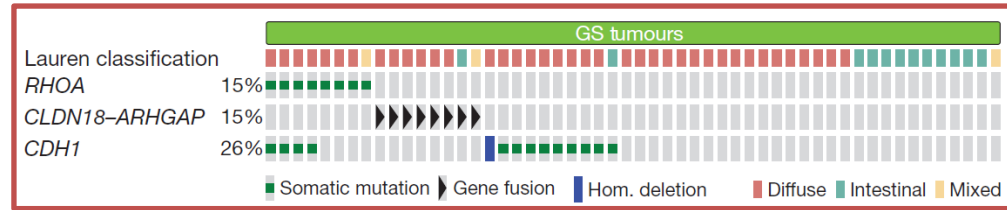
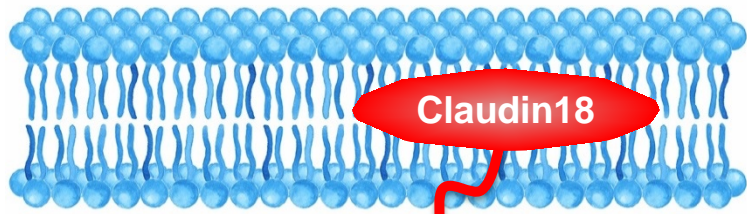
課題名（公開可能な）	RHOA、ARHGAP 融合、SWI/SNF 等の変異を持つ未分化型胃癌細胞株
研究代表者と所属	<a href="#">佐々木博己</a> 、 <a href="#">EPOC バイオマーカー探索 TR 分野（築地）</a>
共同研究者と所属	小松将之（同上）、坂本裕美（研究所臨床ゲノム解析部門）

	Novelty	Speed	Capacity	Versatility	Cost	Human sample
Evaluation methods & systems						
Novel original cell lines	◎			◎		◎
New target identification						
Platform technologies						
Compounds, Antibody, etc						

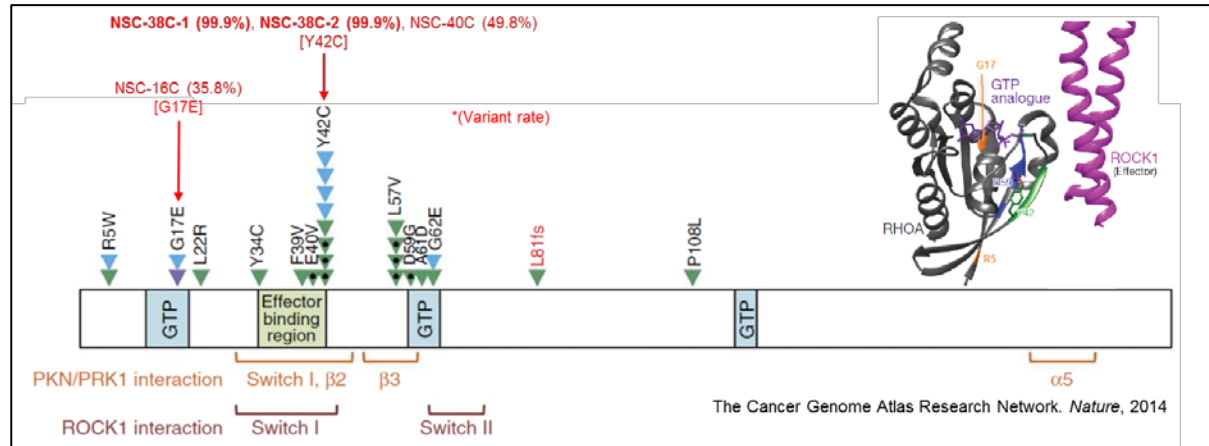
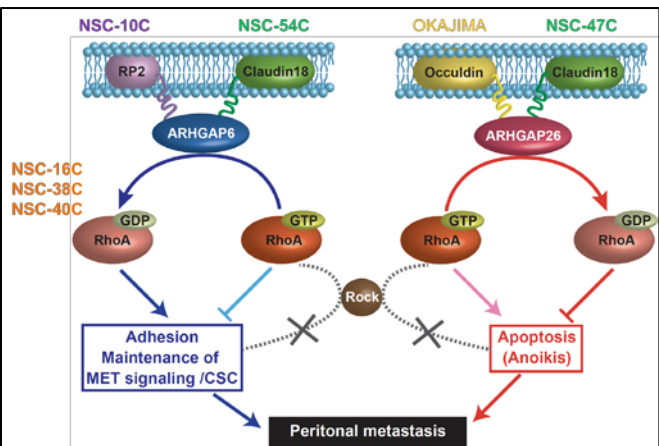
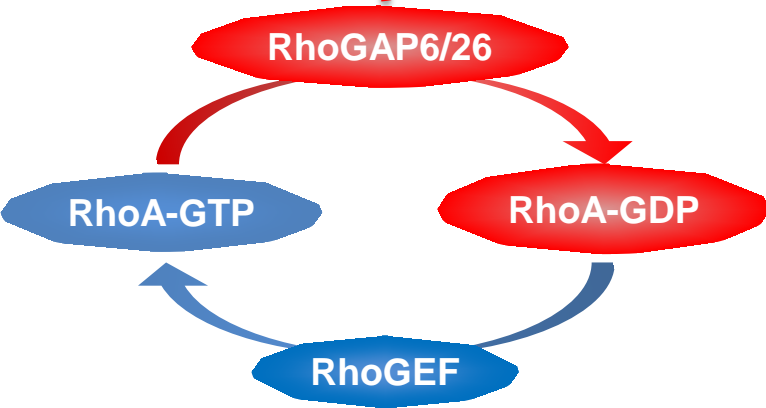
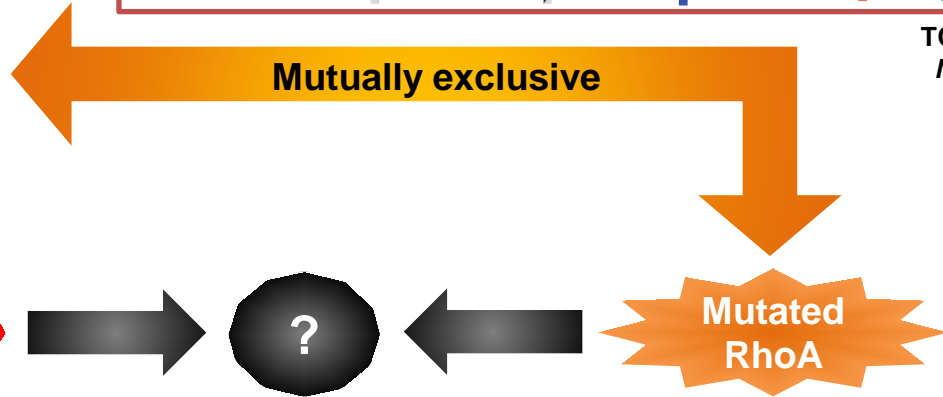
Strongest point=◎ Strong point=○ Weak point=×

対象疾患	未分化型胃癌
アセットの概要	市販株でカバーできない遺伝子異常を内在的に持つ未分化型胃癌の細胞株は、基盤・TR 研究に極めて有用。
関連する研究費（申請中を含む）	がん研究開発費
論文、特許、共同研究、grant	第 76 回日本癌学会(2017)で公開。
サポート部門へのリクエスト	共同研究実施メンバーの増員、体制維持支援。

# RHOA、ARHGAP融合、SWI/SNF等の変異を持つ未分化型胃癌細胞株 (佐々木博己 シーズ3)



TCGA network  
Nature, 2014



The Cancer Genome Atlas Research Network. Nature, 2014