

| | | |
|----------|------------------------|----------|
| 課題名 | 線維芽細胞ライブラリー | |
| 研究代表者と所属 | 小嶋 基寛 | 臨床腫瘍病理分野 |
| 共同研究者と所属 | 石井 源一郎 | 臨床腫瘍病理分野 |

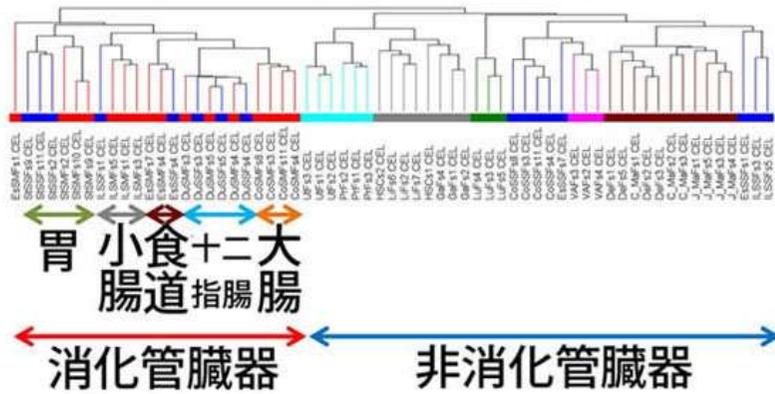
| | Novelty | Speed | Capacity | Versatility | Cost | Human sample |
|------------------------------|---------|-------|----------|-------------|------|--------------|
| Evaluation methods & systems | ○ | ○ | ◎ | ◎ | ◎ | ◎ |
| Novel original cell lines | ◎ | ○ | ◎ | ◎ | ◎ | ◎ |
| New target identification | ◎ | ○ | ◎ | ◎ | ◎ | ◎ |
| Platform technologies | | | | | | |
| Compounds, Antibody, etc | | | | | | |

Strongest point=◎ Strong point=○ Weak point=×

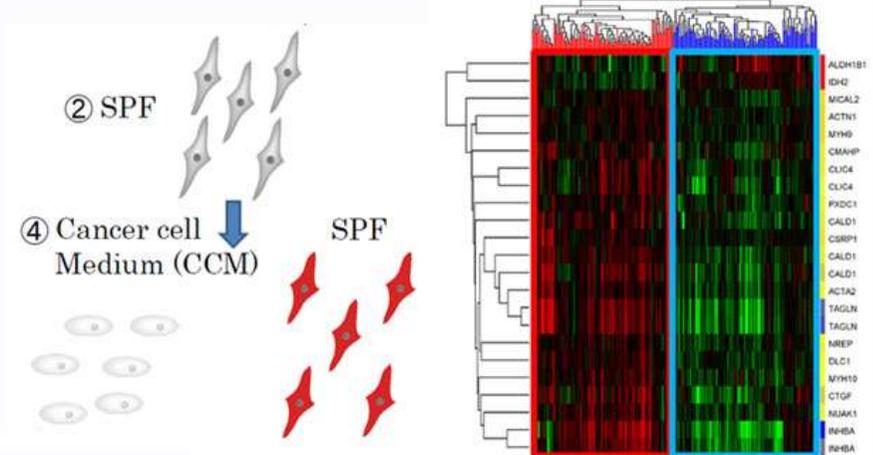
| | |
|------------------|-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| 対象疾患 | 胃、食道、小腸、大腸、肝臓、皮膚、乳腺、前立腺、膵臓、肺、心臓、胆嚢、子宮に発生する癌及び炎症性疾患 |
| アセットの概要 | <ul style="list-style-type: none"> ・全身の初代培養線維芽細胞を有する。 ・これらの細胞を癌培養上清で刺激し、microarray 解析を行なうことにより、多数のヒト大腸癌、胃癌の予後マーカーの抽出に成功した解析 platform も有する。多数の臓器由来線維芽細胞を用いて、臓器特異的や共通のマーカーを抽出可能である。 ・それらの中には機能を有する分子も含まれていると考えており、多くの腫瘍を対象として間質を対象とした創薬標的等も検索可能である。 ・炎症性疾患も対象とすることが可能である (例：炎症性腸疾患の $INF\alpha$ 阻害実験等で実際に使用されている)。 |
| 関連する研究費 (申請中を含む) | AMED-CREST 申請中 |
| 論文、特許、共同研究、grant | <p>1. Yokota M, Kojima M, Higuchi Y, Nishizawa Y, Kobayashi A, Ito M, Saito N, Ochiai A. Gene expression profile in the activation of subperitoneal fibroblasts reflects prognosis of patients with colon cancer. Int J Cancer 2016.15;1422-1431.</p> <p>2. Higuchi Y, Kojima M, Ishii G, Aoyagi K, Sasaki H, Ochiai A.</p> |

| | |
|--|--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| | Gastrointestinal Fibroblasts Have Specialized, Diverse Transcriptional Phenotypes: A Comprehensive Gene Expression Analysis of Human Fibroblasts. PLoS One 2015 5:10:e0129241. |
|--|--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|

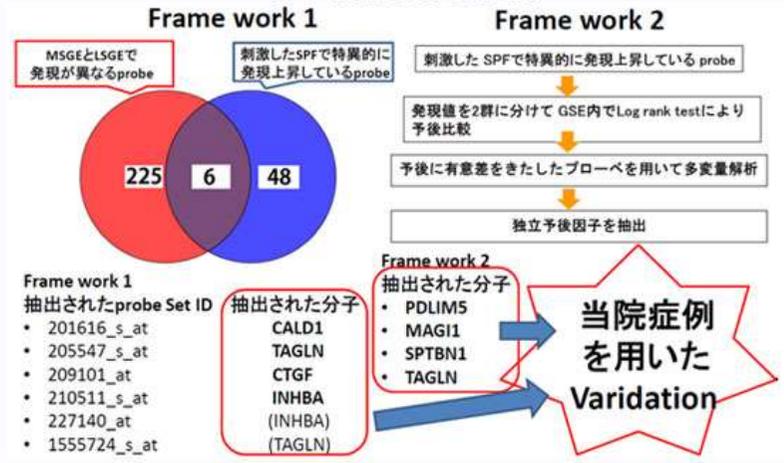
① 線維芽細胞ライブラリー



② 実験モデル作製と発現解析



③ バイオマーカーや標的探索の Framework



④ 抽出されたバイオマーカーや標的の validation

