

Jpn J Clin Oncol 2011;41(2)239–244 doi:10.1093/jjco/hyq216 Advance Access Publication 26 November 2010

Biased Discordance of *KRAS* Mutation Detection in Archived Colorectal Cancer Specimens Between the ARMS-Scorpion Method and Direct Sequencing

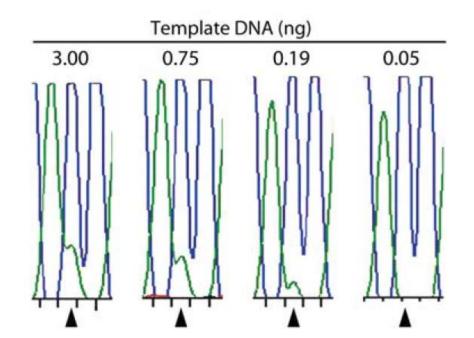
Hideaki Bando^{1,2}, Katsuya Tsuchihara¹, Takayuki Yoshino², Motohiro Kojima³, Naomi Ogasawara¹, Hiraku Fukushima², Atsushi Ochiai³, Atsushi Ohtsu² and Hiroyasu Esumi^{1,*}

¹Cancer Physiology Project, Research Center for Innovative Oncology, National Cancer Center Hospital East, ²Division of Gastrointestinal Oncology, National Cancer Center Hospital East and ³Pathology Division, Research Center for Innovative Oncology, National Cancer Center Hospital East, Kashiwa, Japan

*For reprints and all correspondence: Hiroyasu Esumi, National Cancer Center Hospital East, 6-5-1 Kashiwanoha, Kashiwa, Chiba 277-8577, Japan. E-mail: hesumi@east.ncc.go.jp

Received June 7, 2010; accepted October 23, 2010

Jpn J Clin Oncol (2011)



DNA amount	ARMS/S		Direct sequencing		
(ng)	Control $C_{\rm t}$	ΔC_{t}	Mutant/wild-type ratio		
			35 cycles $(n=3)$	37 cycles $(n = 5)$	40 cycles $(n = 5)$
3.00	30.73	2.84	0.225 ± 0.012	0.216 ± 0.010	0.242 ± 0.038
0.75	32.80	2.82	$0 \pm 0^{a,*}$	0.209 ± 0.053	0.230 ± 0.082
0.19	34.84	2.91	$0 \pm 0^{a,*}$	0.154 ± 0.108	0.237 ± 0.061
0.05	37.70	ND^b	ND^b	$0 \pm 0^{a,**}$	0.243 ± 0.214

^aWild-type signals could be detected, whereas mutant signals were not detectable.

遺伝子変異検査のgolden standardであるDirect-sequencing法において条件検討を行いました.

ホルマリン固定時間,手術した年次,腫瘍組織の混在率もばらばらの大腸癌FFPE検体に対し,安定的にmutationを同定するための条件について検討し,報告しました.

^bNeither wild-type nor mutant signals were detectable.

^{*}Significantly different from the values in obtained with 40 cycles and 37 cycles of amplification of samples with an equivalent amount of DNA at P < 0.05 (ANOVA and Tukey's HSD procedure).

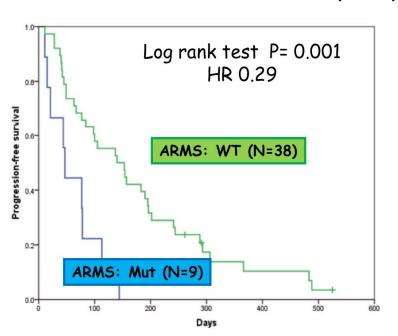
^{**}Significantly different from the values obtained with 40 cycles in samples with an equivalent amount of DNA at P < 0.05 (ANOVA and Tukey's HSD procedure).

KRAS mutations detected by the amplification refractory mutation system—Scorpion assays strongly correlate with therapeutic effect of cetuximab

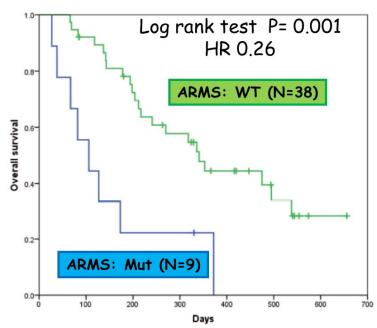
H Bando^{1,2}, T Yoshino^{*,1}, K Tsuchihara², N Ogasawara², N Fuse¹, T Kojima¹, M Tahara¹, M Kojima³, K Kaneko¹, T Doi¹, A Ochiai³, H Esumi² and A Ohtsu¹

¹Department of Gastroenterology and Gastrointestinal Oncology, National Cancer Center Hospital East, 6-5-1 Kashiwanoha, Kashiwa, Chiba 277-8577, Japan; ²Cancer Physiology Project, Research Center for Innovative Oncology, National Cancer Center Hospital East, 6-5-1 Kashiwanoha, Kashiwa, Chiba 277-8577, Japan; ³Pathology Division, Research Center for Innovative Oncology, National Cancer Center Hospital East, 6-5-1 Kashiwanoha, Kashiwa, Chiba 277-8577, Japan

British Journal of Cancer (2011)



		ダイレクトシーケンス法		△= 1
		野生型	変異型	合計
Scorpion ARMS法	野生型	89 (56.0%)	O (0%)	89 (56.0%)
	変異型	11 (6.9%)	59 (37.1%)	70 (44.0%)
合言	†	100 (62.9%)	59 (37.1%)	159 (100%)



Direct-sequence法および高感度法であるScopion-ARMS法でKRAS遺伝子変異検査を行い、Direct-sequence法で変異が認められないがScopion-ARMS法で変異が同定された症例は、cetuximabの治療効果が認められないことを報告しました。可能な限り感度が高い測定法が望ましいと示唆されます。

前治療で増悪した進行胃癌患者を対象とした

TAS-102 の第 II 相臨床試験

医師主導治験実施計画書

TAS-102 Phase II GC

研究代表者(治験調整医師): 土井 俊彦

独立行政法人国立がん研究センター東病院 消化管腫瘍科 消化管内科副科長

〒277-8577 千葉県柏市柏の葉 6-5-1

TEL: 04-7133-1111 (内線 91690)

E-mail: tdoi@east.ncc.go.jp

研究事務局(治験調整医師):坂東 英明

独立行政法人国立がん研究センター東病院 消化管腫瘍科 がん専門修練医

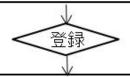
〒277-8577 千葉県柏市柏の葉 6-5-1 TEL: 04-7133-1111 (内線 91114)

E-mail: hbando@east.ncc.go.jp

進行胃腺癌·食道胃接合部癌 20歳以上、PS 0-2

- 以下のすべてを満たす
- ① 5-FU系抗がん剤の投与歴あり
- ② 白金誘導体の投与歴あり
- ③ タキサン系もしくはイリノテカンの投与歴あり
- ④ 2レジメン以内

第1ステージ



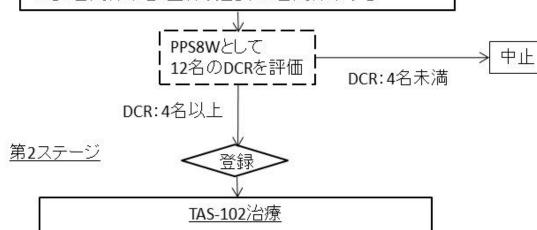
TAS-102治療

投与量: 35mg/m²/dose BID (70mg/m²/day)

投与スケジュール:

1日2回朝食後および夕食後に5日間連続経口投与した

のち2日間休薬を2回繰り返し、14日間休薬する



PPS8Wとして16名を追加する 投与量・投与スケジュールは第1ステージと同様